

# CATÁLOGO DE SERVICIOS

## BIOINFORMÁTICA

### ENSAMBLE DE GENOMAS

#### DE NOVO O CON REFERENCIA

Ensamble de genomas obtenidos a partir de equipos Illumina y PacBio

Organismos: Bacterias, arqueas y hongos.

**Tiempo de entrega:** 20 - 25 días hábiles

### ANÁLISIS METAGENÓMICOS

#### BASADOS EN 16S

Análisis metagenómicos de microorganismos 16S. Se calcula abundancia y diversidad

Organismos: microorganismos ambientales y microbiota de organismos

**Tiempo de entrega:** 20 - 25 días hábiles

### DETECCIÓN DE VARIANTES

Detección de variantes de diferentes organismos a partir de datos de secuenciación

Organismos: animales, bacterias

**Tiempo de entrega:** 20 - 25 días hábiles

### ENSAMBLADO DE TRANSCRIPTOMAS

Ensamblado de transcriptomas

**Tiempo de entrega:** 20 - 25 días hábiles

### ANÁLISIS DE REDES

Cytoscape

**Creación, edición,** visualización y cálculos topológicos

**Tiempo de entrega:** 20 - 25 días hábiles

### PREDICCIÓN Y ANOTACIÓN FUNCIONAL DE GENES

Uso de diversos herramientas para predicción y anotación funcional de genes de secuencias, conversión de identificadores de genes, caracterización de genes, identificación de características de secuencia (exón, intrón, ORF, CDS)

**Tiempo de entrega:** 20 - 25 días hábiles

### IDENTIFICACIÓN DE PATÓGENOS

Asignación de especie, identificación de islas de patogenicidad o de resistencia a antibióticos

Organismos: microorganismos

**Tiempo de entrega:** 20 - 25 días hábiles

# CATÁLOGO DE SERVICIOS

## BIOINFORMÁTICA

### EXPRESIÓN DIFERENCIAL CON RNA-SEQ DE NOVO O CON REFERENCIA

Enfocado a expresión diferencial de mRNA y mirRNA

**Tiempo de entrega:** 20 - 25 días hábiles

### ANÁLISIS DE DATOS DE MICROARREGLOS

mRNA, microRNA, CNV, SNP

Análisis bioinformático de datos obtenidos por microarreglos.

**Tiempo de entrega:** 20 - 25 días hábiles

### ANÁLISIS DE FILOGENIA Y FILOGENÓMICA

A partir de secuencias de genes, proteínas o genomas

Diversos métodos: distancias, bayesino o parsimonia

**Tiempo de entrega:** 20 - 25 días hábiles

### ANÁLISIS DE CALIDAD DE DATOS

Análisis bioinformático que permite conocer la calidad de los obtenidos por NGS para análisis e interpretación de datos a partir de FASTQ.

**Tiempo de entrega:** 3-5 días hábiles

### ANÁLISIS DE DATOS DE NGS

Análisis bioinformático de datos obtenidos por secuenciación de nueva generación.

**Tiempo de entrega:** 3-5 días hábiles

### PRESENTACIÓN DE DATOS EN NCBI

Un principio fundamental en la publicación de los resultados científicos es que los datos que respaldan cualquier trabajo académico deben estar completamente disponibles para la comunidad de investigación, en una forma que permita evaluar las conclusiones básicas de forma independiente. Los autores que describe un genoma, gen o proteína recientemente secuenciados deben presentar los datos en bases de datos mantenidas por el NCBI.

**Tiempo de entrega:** 3-5 días hábiles